

Figure 1

SEQ ID NO:25	(gi 2969887)	MAG-----	60
SEQ ID NO:26	(gi 2723471)	MARGSGAGGGGGG-----GGGLEL-----PEADNRHRGGATAAPP-----	
SEQ ID NO:27	(gi 542020)	MQS-----	
SEQ ID NO:28	(gi 1935019)	MEP-----	
SEQ ID NO:2		MARG-----DG-----GQLAEL-----SAGVRG-----AAAVVDH-----	
SEQ ID NO:4		HE-----	
SEQ ID NO:6		AA-----	
SEQ ID NO:8		-----DH-----	
SEQ ID NO:10		MDSAAGGGGLTAIRLPYRHLR-DAEMELVSLN-----GGTPRGGSPKDPDATHQ-QGPPA	
SEQ ID NO:12		ME-----	
SEQ ID NO:14		MEP-----LSSTKH-----NNLSKPSSLHTEAPP-----EPQ	
SEQ ID NO:16		AR-----	
SEQ ID NO:18		-----	
SEQ ID NO:20		MARG-----GG-----NGEVEL-----SVGVGGGG--GAAGGEQPAVD--	
SEQ ID NO:22		MARG-----GG-----NGEVEL-----SVGVGGGA--GA-GGADAPAVD--	
SEQ ID NO:24		-----GSDAARPKKEEQSGAGAGEGG-----	
SEQ ID NO:25	(gi 2969887)	RSRVSRLRLLRVASVACGIQFGWALQSLSLTPYVQELGIPHAWSSIIWLCGLSGLLVQP	120
SEQ ID NO:26	(gi 2723471)	APIISLGRLLISGMVAGGVQYGWALQSLSLTPYVQTLGLSHALTSMWLCGPIAGMNVQP	
SEQ ID NO:27	(gi 542020)	PNSSPLRKVMVASIAAGIQFGWALQSLSLTPYVQLLGIPIHTWAAFIWLCGPISGMLVQP	
SEQ ID NO:28	(gi 1935019)	LESPRLRKIMVVASIAAGVQFGWALQSLSLTPYVQLLGIHHTWAAFIWLCGPISGMLVQP	
SEQ ID NO:2		VAPISLGRLLIAGMVAGGVQYGWALQSLSLTPYVQTLGLSHALTSMWLCGPIAGLVVQP	
SEQ ID NO:4		VAPISLGRLLIAGMVAGGVQYGWALQSLSLTPYVQTLGLSHALTSMWLCGPIAGLVVQP	
SEQ ID NO:6		-----HEIT-----	
SEQ ID NO:8		ARTTTTRKLVACMVAAGVQFGWALQSLSLTPYIQTGLIDHAMASFIWLCGPIGTFVVQP	
SEQ ID NO:10		PGSPPLRKIMLVSSMAAGIQFGWALQSLSLTPYVQTLGVPHAWASFIWLCGPIGGLLVQP	
SEQ ID NO:12		PEASPLRKIMVVASIAAGVQFGWALQSLSLTPYVQLLGIPIHTWAAFIWLCGPISGMLVQP	
SEQ ID NO:14		-----GW-----	
SEQ ID NO:16		-----	
SEQ ID NO:18		-----	
SEQ ID NO:20		---ISLGRLLIAGMVAGGVQYGWALQSLSLTPYVQTLGLSHALTSMWLCGPIAGLVVQP	
SEQ ID NO:22		---ISLGRLLIAGMVAGGVQYGWALQSLSLTPYVQTLGLSHALTSMWLCGPIAGLVVQP	
SEQ ID NO:24		MKGAPKRWVVLACMVAAGVQFGWALQSLSLTPYIQTGLIDHAMASFIWLCGPIGTFVVQP	


```

241      2969887)  (gi 2969887)  AYSGWYKVPFSLTSSCTINCANLKSIFYIDIIFIILITTYISISAKEPRISSQDGP--
                ID NO:25  (gi 2969887)  STNNHKKWFPELKLTRACCACANLKGAFVAVFLSLCLVITLFAKEVPFKGNAA-----
                ID NO:26  (gi 2723471)  AYTHLYKLFPEFTKTTACDVYCANLKSCTFFISIVLLLSLTLVLSLYVKEKWPSPDQAVD--
                ID NO:27  (gi 542020)  AYSKLYHVFPFTKTKACNVYCANLKSCTFFLSALLTVLATSALIYVKETALTPEKTVV--
                ID NO:28  (gi 1935019)  STNNHKKWFPELKTSAACCEACANLKGAFVAVFLVCLTTLTIFAKEVPYRANEN-----
                ID NO:2  -----
                ID NO:4  -----
                ID NO:6  STNNHKKWFPEFLMTNACCACANLKGAFVAVFLIMCLTITLFFAKEVPYRGNQN-----
                ID NO:8  AYSGWYKIFPFTVTPSCSTSCANFKSAFLDIIILVVTTCTIVASV-----QEPQ--
                ID NO:10  ASGNHKKWFPEFLMTRACCACANLKAFLVAVVFLFCMSVTLTYFAEEIIPLEPTDAQRLS
                ID NO:12  SYDGLHRLFPEETEACNVFCANLKSCTFFAIVLLVLTTLVLITVKETPYTPKAKE--
                ID NO:14  SYSGLHNVFPFTKTKACDVYCANLKSCTFFLSIALLLTLSTIALTYVKEKTVSSEKTVR--
                ID NO:16  -----
                ID NO:18  -----
                ID NO:20  STNNHKKWFPEFLRTRACCACANLKGAFVAVLVLAFCLVITVFAKEIPIYKAIAP-----
                ID NO:22  STNNHKKWFPEFLRTRACCACANLKGAFVAVLVLAFCLVITVFAKEIPIYKAIAP-----
                ID NO:24  ASGNHKKWFPEFLMTRACCACANLKAFLIAVVFLFCMAVTLTYFAEEIIPLEPKDAQQLS

```

	SEQ	ID	NO:25	(gi	2969887)	301		360
	SEQ	ID	NO:25	(gi	2969887)		-----QFSEDGTAQSGHIEEA--F----	
	SEQ	ID	NO:26	(gi	2723471)		----LPT-KSNEPAEPEGT-----G	
	SEQ	ID	NO:27	(gi	542020)		-----NAEDDTASQASSAQAQMPFF--	
	SEQ	ID	NO:28	(gi	1935019)		-----TT-EDGSSGG--MPCF----	
	SEQ	ID	NO:2				----LPTTKAGEVETEPT-----G	
	SEQ	ID	NO:4				-----LPT-KANGEVETEPS-----G	
	SEQ	ID	NO:6				-----SFGSDEADHPSTEQEA--F----	
	SEQ	ID	NO:8				-----SNVPANSNAE--DSNSNRENVEVFNDG	
	SEQ	ID	NO:10				-----TEDAEKT-----HFSCF----	
	SEQ	ID	NO:12				-----SSVEEDGSHGG--MPCF----	
	SEQ	ID	NO:14				-----	
	SEQ	ID	NO:16				-----	
	SEQ	ID	NO:18				-----LPT-KGNGQVEVEPT-----G	
	SEQ	ID	NO:20				-----LPT-KANGQVEVEPT-----G	
	SEQ	ID	NO:22				-----NHVSANSSADAGSNKNDKDDVEAFNDG	
	SEQ	ID	NO:24				-----	

SEQ	ID	NO:25	(gi	2969887)	361	420
SEQ	ID	NO:25	(gi	2969887)	---	---
SEQ	ID	NO:26	(gi	2723471)	P---	P---
SEQ	ID	NO:27	(gi	542020)	---	---
SEQ	ID	NO:28	(gi	1935019)	---	---
SEQ	ID	NO:2			P---	P---
SEQ	ID	NO:4			---	---
SEQ	ID	NO:6			P---	P---
SEQ	ID	NO:8			---	---
SEQ	ID	NO:10			PGAVL	PGAVL
SEQ	ID	NO:12			---	---
SEQ	ID	NO:14			---	---
SEQ	ID	NO:16			---	---
SEQ	ID	NO:18			---	---
SEQ	ID	NO:20			P---	P---
SEQ	ID	NO:22			P---	P---
SEQ	ID	NO:24			PGAVL	PGAVL

4/6

SEQ	ID	NO:25	(gi	2969887)	481	LITFI	AKNMDY	G	TNP	-----	PPNG	IVISAL	IVFA	ILGI	PLA	ITYSV	PYAL	VST	RIES	540
SEQ	ID	NO:26	(gi	2723471)		ISFWS	LKDFH	----	GTVQ	KAITAD	KS	IKAV	CLVLF	FA	FLGV	PLAV	LYSV	PF	AVTA	QLAAT
SEQ	ID	NO:27	(gi	542020)		VT	KQAE	STR	RFA	TV	SGG	AKV	PLP	PP	SG	VKAG	ALFA	V	MGV	PQ
SEQ	ID	NO:28	(gi	1935019)		VT	KL	AQ	SR	QY	AP	GT	GA	L	GD	PL	PP	SE	GI	KAG
SEQ	ID	NO:2				ISFWS	LRDYH	----	GYVQ	DAIT	AN	AS	IKAV	CLVLF	FA	FLGV	PLA	ILY	SV	PF
SEQ	ID	NO:4				LSW	ISS	DL	YS	----	SKL	HH	I	G	ANK	TV	KIT	AL	VV	FS
SEQ	ID	NO:6				ISFWS	LKDYH	----	GYVQ	DAIT	AS	TS	SI	KAV	CLVLF	FA	FLGV	PLA	ILY	SV
SEQ	ID	NO:8				VIT	YAK	NMD	Y	PP	SGV	----	----	----	----	----	----	----	----	----
SEQ	ID	NO:10				LSW	IS	FD	LY	----	SKL	HH	I	G	ANK	TV	KNS	AL	IV	FS
SEQ	ID	NO:12				IT	KI	A	E	R	L	L	N	P	AL	V	GN	----	----	----
SEQ	ID	NO:14				----	GKX	GER	-	K	YD	KG	----	----	----	----	----	----	----	----
SEQ	ID	NO:16				VT	KM	A	D	S	E	R	Q	F	K	T	L	P	D	G
SEQ	ID	NO:18				I	SW	A	T	Q	D	L	H	----	----	----	----	----	----	----
SEQ	ID	NO:20				I	SW	A	T	Q	D	L	----	----	----	----	----	----	----	----
SEQ	ID	NO:22				I	SW	A	T	Q	D	L	----	----	----	----	----	----	----	----
SEQ	ID	NO:24				LSW	IS	Y	D	LY	----	SKL	O	H	I	V	G	A	D	K

541	2969887)	(gi	ID NO:25	SEQ	LGLGQGLSMGVNL	IAIVVQVIVSLGSGP	WDQLFGG	GNSPA	FVVVAALSAFAAGLIA	IAIAI
					RGGQGLCTGVNL	ISIVIPQVIALGAGP	WDELFGK	GNIPAFGLASGF	ALIGGVAGIFLL	
	2723471)	(gi	ID NO:26	SEQ	SGAGQGLSLGVNL	SIVIPQMIVSVAAGP	WDALFGG	GNLPAFVVGVAALASGIF	ALTM	
	542020)	(gi	ID NO:27	SEQ	SGAGQGLSLGVNL	IAIVIPQMIVSLG	PWDALFGG	GNLPAFVVGVAALASGIL	SIILL	
	1935019)	(gi	ID NO:28	SEQ	RGGQGLCTGVNL	SIVIPQVIALGAGP	WDALFGK	GNIPAFGVASAFALV	GGVGVFLL	
			ID NO:2	SEQ	TGGQGLATGVNL	IAIVVQIVVSLGAGP	WDALYGG	GNTPAFVLASVFS	LAAGVLAVLKL	
			ID NO:4	SEQ	RGGQGLCTGVNL	SIVIPQVIALGAGP	WDALFGK	GNIPAFGVASGF	ALIGGVGVFLL	
			ID NO:6	SEQ	LGLGQGLAMGIL	NIAIVIPQIVVSLGSGP	WDQLFGG	GNAPAFAVAAA	SFIGGLVAILGL	
			ID NO:8	SEQ	TGGQGLATGVNL	IAIVVQIVVSLGAGP	WDALFGG	GNVPAFALASVFS	LAGVLAVLKL	
			ID NO:10	SEQ	SGAGQGLSLGVNL	IAIVVQIMIVST	ISGPDALFGG	GNLPAFVLGA	VAAVSAI	LAIVLL
			ID NO:12	SEQ	-----	-----	-----	-----	-----	-----
			ID NO:14	SEQ	SGAGQGLSLGVNL	IAIVIPQMIVS	VLGSGP	WDALFGG	GNLPAFVVG	IAISAAVSGILSFTML
			ID NO:16	SEQ	RGGQGLCTGVNL	IAIVIPQVIAVGAGP	WDELFGK	GNIPAFGVASAF	ALIGGIVGIFLL	
			ID NO:18	SEQ	KRGGQGLCTGVNL	IAIVIPQVIAVGAGP	WDELFGK	GNIPAFGWSAF	ALIGGIVGIFL	
			ID NO:20	SEQ	RGGQGLCTGVNL	IAIVIPQVIALGAGP	WDELFGK	GNIPAFGVASAF	ALIGGIVGIFL	
			ID NO:22	SEQ	TGGQGLATGVNL	IAIVVQIVVSLGAGP	WDALYGG	GNVPAFALASVFS	LAAGVLAVLKL	
			ID NO:24	SEQ	-----	-----	-----	-----	-----	-----

601	621
SEQ ID NO: 25	RRPRVD-KSRLH-----H-
SEQ ID NO: 26	PKISK----RQFWSVMGGGH-
SEQ ID NO: 27	PSPQDMP-SAKALT-AAFH-
SEQ ID NO: 28	PSPPPDMAKSVSATG-GGFH
SEQ ID NO: 2	PKISK----RQFRAVS-AGGH-
SEQ ID NO: 4	PKLSN----S-YQSAGFHGFG-
SEQ ID NO: 6	PKISK----RQFRAVS-AGGH-
SEQ ID NO: 8	PRARIASRRRGH-----R-
SEQ ID NO: 10	PKLPN----S-YRSAGFHGFG-
SEQ ID NO: 12	PTPKKADEVRASSLNMGSLH-
SEQ ID NO: 14	-----FR-
SEQ ID NO: 16	PSPPPDVVLK--VSGGGMH-
SEQ ID NO: 18	PKISR----RQFRAVS-GGGH-
SEQ ID NO: 20	LPKIS----RRQFRAV-SGGGH
SEQ ID NO: 22	PKISR----LQFRAVS-GGGH-
SEQ ID NO: 24	PKLSN----N-YQSAGFH-MG-